



Státní
veterinární
správa



Odbor veterinární hygieny a ochrany veřejného zdraví

**Monitoring zoonóz a
antimikrobiální rezistence v roce 2025**

Informační
bulletin
č. 4/2026

Státní veterinární správa

Informační bulletin č. 4 / 2026

Monitoring zoonóz a antimikrobiální rezistence v roce 2025

Autoři:

- | | |
|-------------------------------|---|
| MVDr. Veronika VLASÁKOVÁ | – Ústřední veterinární správa Státní veterinární správy,
oddělení bezpečnosti potravin |
| Mgr. Michaela ZLÁMALOVÁ | – Ústřední veterinární správa Státní veterinární správy,
oddělení bezpečnosti potravin |
| MVDr. Zuzana ILENINOVÁ, Ph.D. | – Ústřední veterinární správa Státní veterinární správy,
oddělení bezpečnosti potravin |

Editor:

- | | |
|------------------|---|
| Bc. Jiří SMETANA | – Ústřední veterinární správa Státní veterinární správy,
odbor informatiky |
|------------------|---|

Zpracováno na základě dat z Informačního systému SVS, Zprávy NRL pro antimikrobiální rezistenci, Zprávy z NRL pro kampylobaktery, Zprávy z NRL pro salmonely, Zprávy z NRL pro *E.coli*, červenec 2026

OBSAH

1. ÚVOD	4
2. Monitoring zoonóz – <i>Salmonella</i> spp. z JUT a kůží z krků.....	5
3. Monitoring zoonóz - <i>Campylobacter</i> spp. z JUT	10
4. Monitoring zoonóz – Shiga toxin-produkující <i>E. coli</i> (STEC) z JUT	11
6. Monitoring antimikrobiální rezistence – <i>Campylobacter</i> spp. ze slepých střev	14
7. Monitoring antimikrobiální rezistence – komenzální <i>E. coli</i> ze slepých střev	15
8. Monitoring antimikrobiální rezistence – enzymy produkující <i>E. coli</i> ze slepých střev a čerstvého masa (ESBL, AmpC, karbapenemázy)	16
9. Monitoring antimikrobiální rezistence - <i>Salmonella</i> spp. ze slepých střev	17
10. Monitoring zoonóz a AMR - <i>Staphylococcus aureus</i> rezistentní na methicilin (MRSA) z nasálních výtěrů prasat na výkrm	18

1. ÚVOD

Sledování zoonóz a původců zoonóz a antimikrobiální rezistence (AMR) bylo v roce 2025 prováděno na základě Metodického návodu SVS č. 8/2024, který stanovuje pravidla pro pravidelné mikrobiologické vyšetření původců zoonóz a pravidla pro sledování a ohlašování antimikrobiální rezistence zoonotických a kmenzálních bakterií, prováděné státním veterinárním dozorem v potravinářských podnicích. Tyto pravidla vychází z vyhlášky č. 356/2004 Sb., o sledování (monitoringu) zoonóz a původců zoonóz a z prováděcího rozhodnutí Komise (EU) 2020/1729, o sledování a ohlašování antimikrobiální rezistence zoonotických a kmenzálních bakterií.

Monitoring zoonóz byl v roce 2025 prováděn u jatečně upravených těl (JUT) skotu (*Salmonella* spp., shigatoxin produkující *E. coli*), prasat (*Salmonella* spp., shigatoxin produkující *E. coli*), ovcí a koz (*Salmonella* spp., shigatoxin produkující *E. coli*), brojlerů (*Salmonella* spp., *Campylobacter* spp.) a krůt (*Salmonella* spp.) Dle nařízení 627/2019 byly do monitoringu zařazeny i koně (*Salmonella* spp.). Vzorky byly odebírány na předem určených jatkách. Kromě vzorků na monitoring *Campylobacter* spp, které odebírají provozovatelé jatek, byly všechny ostatní vzorky odebrány úředními veterinárními lékaři.

Pro účely monitoringu AMR byly v roce 2025 odebírány obsahy slepých střev výkrmových prasat. AMR v těchto vzorcích byla testována u vyizolovaných kmenů *Salmonella* spp., *Campylobacter coli*, indikátorových kmenzálních *E. coli* a u selektivně vyizolovaných kmenů *E. coli* produkujících enzymy ESBL, AmpC a karbapenemázu. Dále byly odebírány vzorky hovězího a vepřového masa v maloobchodní síti pro selektivní detekci kmenů *E. coli* produkujících enzymy ESBL, AmpC a karbapenemázu. Všechny vzorky pro monitoring AMR byly odebrány úředními veterinárními lékaři.

V roce 2025 také proběhla pilotní studie zaměřená na stanovení výskytu meticilin-rezistentního *Staphylococcus aureus* (MRSA) u tuzemských výkrmových prasat. V rámci monitoringu byly na vybraných jatkách odebírány úřední vzorky nasálních výtěrů, které poskytly výchozí údaje o situaci v oblasti výskytu MRSA v populaci výkrmových prasat v České republice. Studie byla realizována jako jednorázové jednoleté šetření v souladu s prováděcím rozhodnutím Komise (EU) 2023/1017, kterým se mění prováděcí rozhodnutí (EU) 2020/1729.

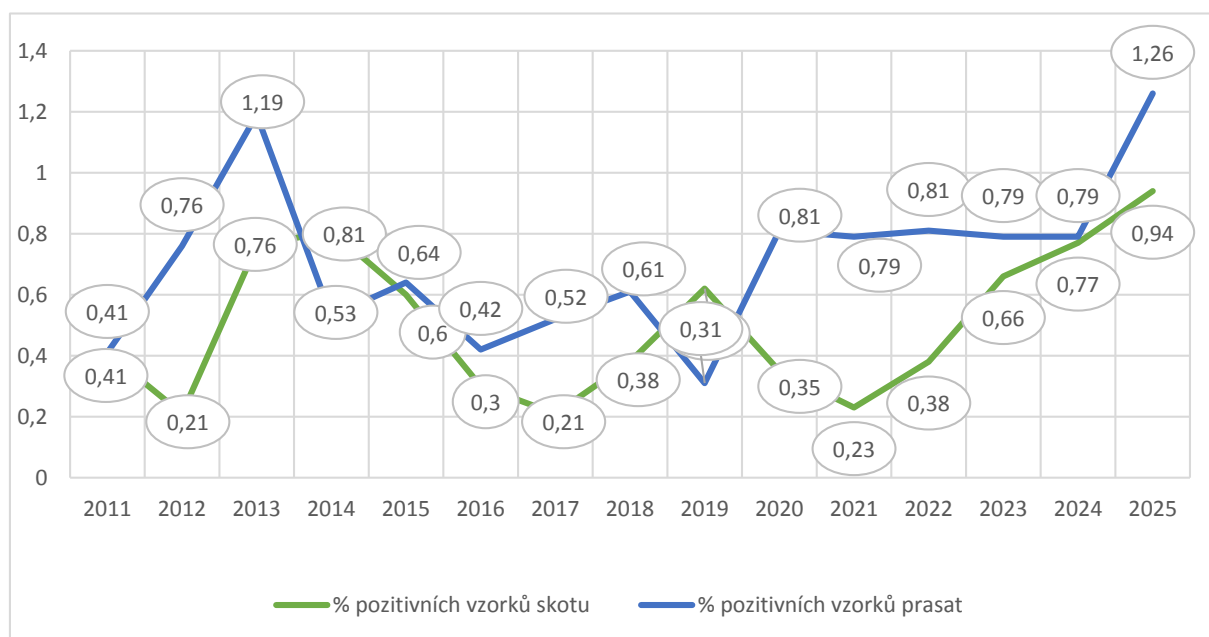
2. Monitoring zoonóz – *Salmonella* spp. z JUT a kůží z krků

Odběr vzorků pro monitoring kmenů *Salmonella* spp. byl prováděn stěry z jatečně upravených těl (skot, prasata, ovce, kozy, koně) a odběrem kůže z krků (brojler a krůta). Výsledky vyšetření za rok 2025 jsou uvedeny v tabulce č. 1. Dlouhodobý trend těchto výsledků je vyhodnocen v grafech č. 1 a 2. Výsledky sérotypizace salmonel u jednotlivých druhů zvířat jsou uvedeny v tabulkách č. 2-5. a v grafech 3-6.

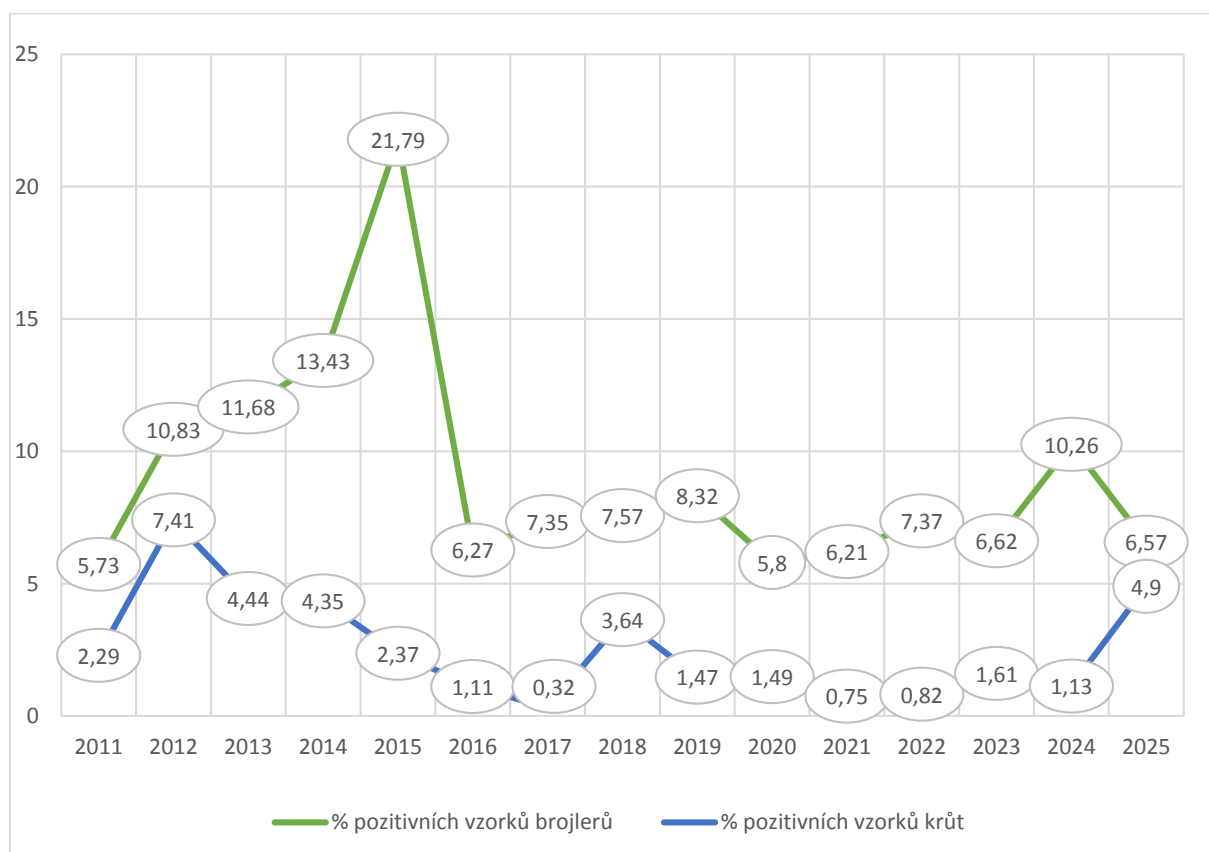
Tabulka č. 1 Výsledky monitoringu *Salmonella* spp. v roce 2025

Druh zvířete	Druh vzorku	Počet odebraných vzorků	Počet odebraných šarží	Počet pozitivních šarží	Počet pozitivních vzorků	% pozitivních vzorků
Skot	stěr z JUT	3610	1333	21	34	0,94
Prasata	stěr z JUT	4350	1192	28	55	1,26
Brojleři	kůže z krku	715	143	20	47	6,57
Krůty	kůže z krku	245	49	4	12	4,90
Ovce	stěr z JUT	379	125	1	1	0,26
Kozy	stěr z JUT	44	18	0	0	0,00
Koně	stěr z JUT	7	7	1	1	14,29

Graf č. 1 Výsledky monitoringu *Salmonella* spp. u skotu a prasat v letech 2011 – 2025



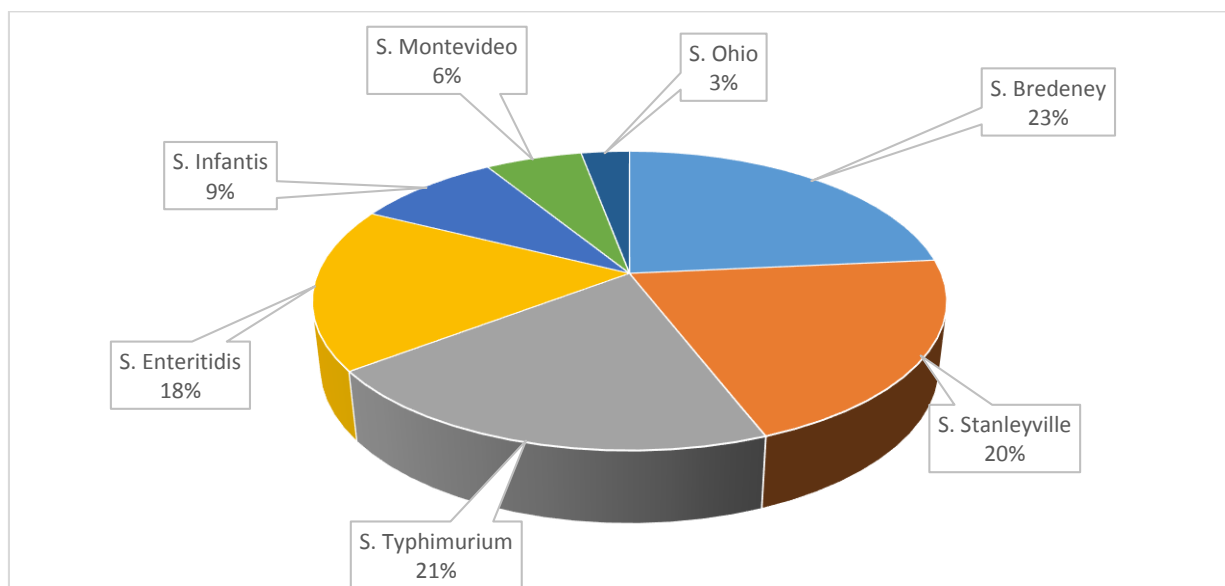
Graf č. 2 Výsledky monitoringu *Salmonella* spp. u drůbeže v letech 2011 – 2025



Tabulka č. 2 Výsledky sérotypizace *Salmonella* spp. u skotu z JUT v roce 2025

Sérotypy	Počet izolátů
S. Bredeney	8
S. Stanleyville	7
S. Typhimurium	7
S. Enteritidis	6
S. Infantis	3
S. Montevideo	2
S. Ohio	1

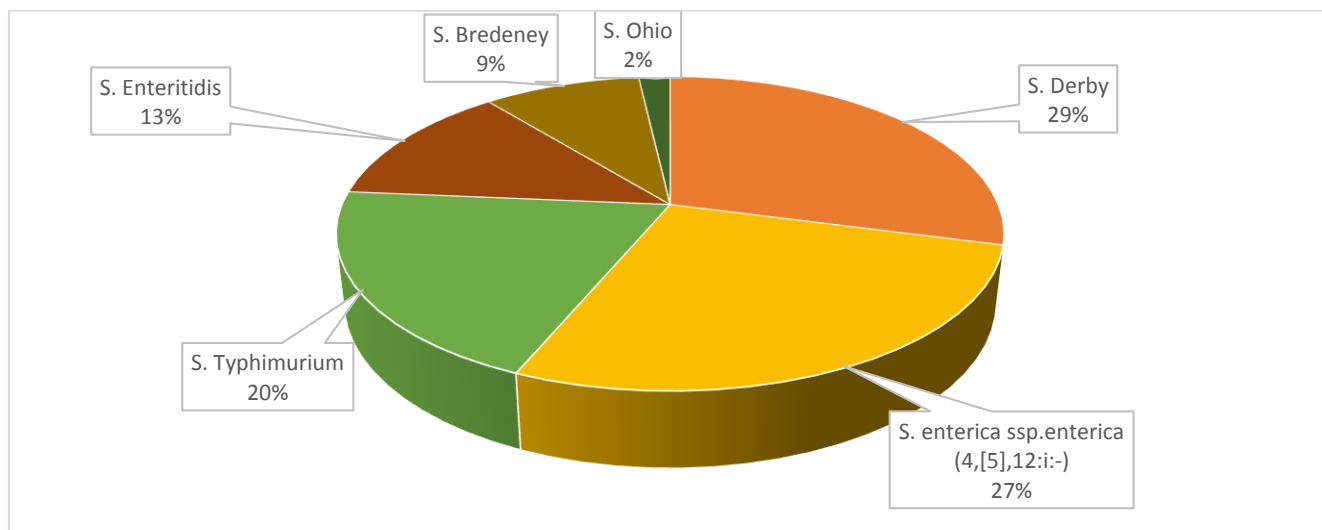
Graf č. 3 Výsledky sérotypizace *Salmonella* spp. u skotu z JUT v roce 2025



Tabulka č. 3 Výsledky sérotypizace *Salmonella* spp. u prasat z JUT v roce 2025

Sérotypy	Počet izolátů
S. Derby	16
S. enterica ssp. enterica (4,[5],12:i:-)	15
S. Typhimurium	11
S. Enteritidis	7
S. Bredeney	5
S. Ohio	1

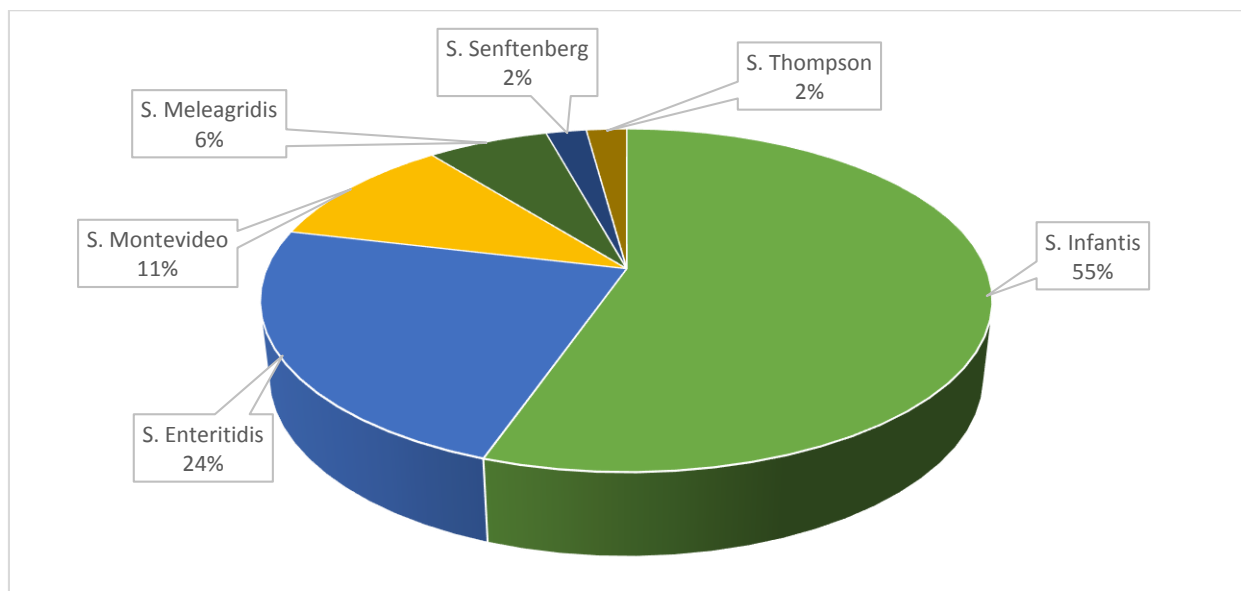
Graf č. 4 Výsledky sérotypizace *Salmonella* spp. u prasat z JUT v roce 2025



Tabulka č. 4 Výsledky sérotypizace *Salmonella* spp. u brojlerů z kůží z krku v roce 2025

Sérotypy	Počet izolátů
<i>S. Infantis</i>	26
<i>S. Enteritidis</i>	11
<i>S. Montevideo</i>	5
<i>S. Meleagridis</i>	3
<i>S. Senftenberg</i>	1
<i>S. Thompson</i>	1

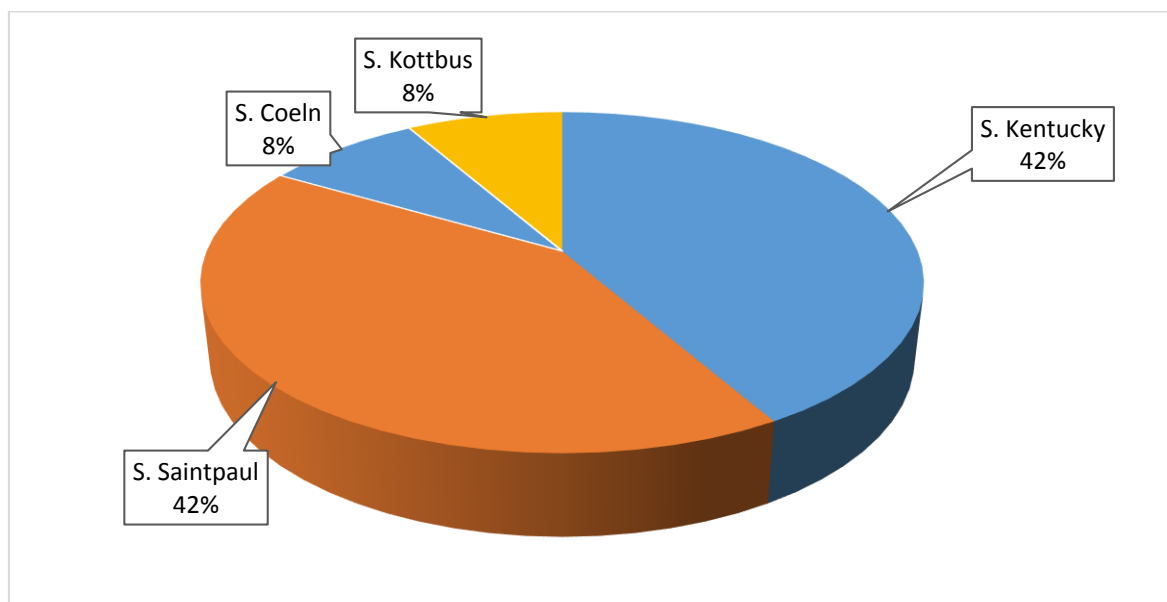
Graf č. 5 Výsledky sérotypizace *Salmonella* spp. u brojlerů z kůží z krku v roce 2025



Tabulka č. 5 Výsledky sérotypizace *Salmonella* spp. u krůt z kůží z krku v roce 2025

Sérotypy	Počet izolátů
<i>S. Kentucky</i>	5
<i>S. Saintpaul</i>	5
<i>S. Coeln</i>	1
<i>S. Kottbus</i>	1

Graf č. 6 Výsledky sérotypizace *Salmonella* spp. u krůt z kůží z krku v roce 2025

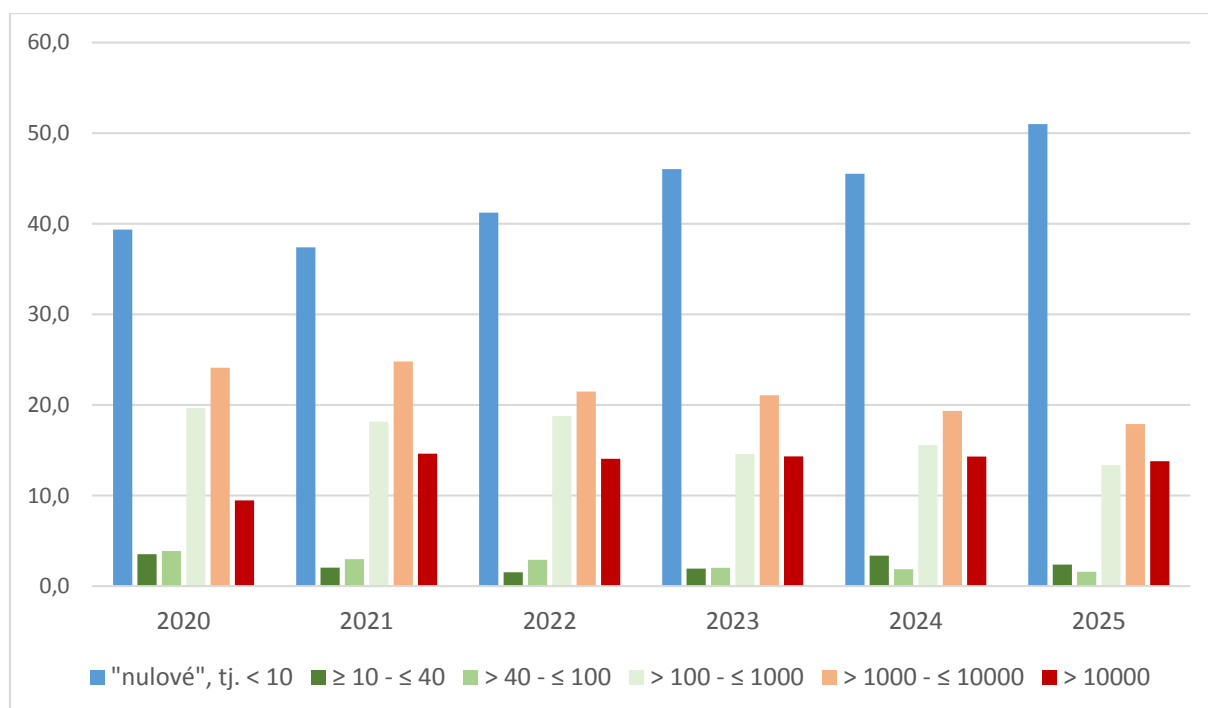


U koní byl zachycen jeden izolát *Salmonella* Stanleyville. U ovcí byl zjištěn jeden izolát *Salmonella* enterica subsp. diarizonae (IIIb) (O61:k:1,5,7). U koz nebyla přítomnost salmonel prokázána v žádném z 44 vyšetřených vzorků.

3. Monitoring zoonóz - *Campylobacter* spp. z JUT

Vyšetření je prováděno dle nařízení Komise 2073/2005 (změna 2017/1495). Celkem bylo odebráno a vyšetřeno 3 655 vzorků z JUT brojlerů. Zcela bez kultivačního nálezu *Campylobacter* spp. bylo 1864 vzorků, tj. 51 % všech vyšetřených vzorků (na grafu č. 7 modrá barva). U zbývajících 1791 (49 %) vzorků, které byly s pozitivním kultivačním nálezem *Campylobacter* spp, byl stanoven počet *Campylobacter* spp. v gramu vzorku. Legislativnímu limitu 1000 KTJ/g nevyhovělo 1158 vzorků, tj. 31,7 % všech vyšetřených vzorků (na grafu č. 7 oranžová a červená barva). U 633 vzorků byl pozitivní nález *Campylobacter* spp. v rozmezí 10-1000 KTJ (na grafu č. 7 zelená barva). Spolu s negativními vzorky se tak jedná o 2497 (68,3 %) odebraných vzorků, které vyhověly legislativnímu limitu (do 1000 KTJ/g).

Graf č. 7 Výsledky *Campylobacter* spp. u brojlerů v jatečně upravených tělech v letech 2020 – 2025 (barevné rozlišení sloupců na ose „x“ udává počet KTJ/g a hodnoty na ose „y“ udávají prevalenci v %).



U všech 1791 vzorků s pozitivním kultivačním nálezem *Campylobacter* spp. (tj. > 10 KTJ/g) byly izolované kmeny kampylobakterů dále typizovány. U 1262 (70,5 %) izolátů byl prokázán druh *Campylobacter jejuni* a u 529 (29,5 %) izolátů druh *Campylobacter coli*.

4. Monitoring zoonóz – Shiga toxin-produkující *E. coli* (STEC) z JUT

Pro detekci Shiga toxin-produkujících *E. coli* (STEC) byly odebírány vzorky z JUT skotu, prasat, ovcí a koz pomocí abrazivní houbičky na předem určených porážkách. Odběr vzorků v roce 2025 probíhal dle nového schéma, a to u skotu, ovcí a koz 1x měsíčně v průběhu celého roku, u prasat v letních měsících červen-září. Došlo tak k výraznému zvýšení počtu vyšetřených vzorků, a tím i k vyššímu zachytu kmenů STEC.

U skotu a prasat byl gen *stx* detekován ve 31 % resp. 30,6 % vzorcích stěrů z JUT. Pozitivita těchto vzorků je obdobná jako v předchozích letech. Pozitivita vzorků na gen *stx* u ovcí a koz byla výrazně vyšší, a to 56,5 % resp. 41,7 % (tab. č. 6). Z pozitivních vzorků se následně podařilo vyizolovat 68 izolátů STEC (26 od skotu, 13 od prasat, 28 od ovcí a 1 od koz), u kterých byl pomocí metody celogenomové sekvenace (WGS) dourčen sérotyp kmene (O- a H-antigen) a subtyp genu *stx* (tab. č. 7).

Tabulka č. 6 Výsledky monitoringu STEC u jednotlivých druhů zvířat v letech 2020 – 2025

	Skot						Prase						Ovce	Koza
	2020	2021	2022	2023	2024	2025	2020	2021	2022	2023	2024	2025	2025	2025
Počet jatek zapojených do monitoringu STEC	60	60	41	41	45	52	62	60	71	69	70	65	45	7
Počet odebraných chovů	-	123	100	86	85	352	-	105	113	112	111	153	52	8
Počet vyšetřených vzorků	126	131	104	87	89	419	134	123	146	146	138	235	85	12
Počet pozitivních vzorků na gen <i>stx</i> (% vyš.vz)	28 (22,2%)	35 (26,7%)	33 (31,7%)	31 (35,6%)	32 (36%)	130 (31%)	35 (26,1%)	37 (30,1%)	37 (25,3%)	40 (27,4%)	43 (31,2%)	72 (30,6%)	48 (56,5%)	5 (41,7%)
Počet izolovaných kmenů STEC	4	4	4	7	2	26	11	6	4	6	12	13	28	1

Tabulka č. 7 Přehled kmenů STEC izolovaných z JUT v roce 2025 (rozděleno dle druhu zvířat a různých kombinací hlavních faktorů virulence)

Sérotyp	Zvíře	Subtyp <i>stx1</i>	Subtyp <i>stx2</i>	Gen <i>eae</i>	Počet izolovaných kmenů
O109:H48	skot	<i>stx1a+</i>	-	-	1
O113:H21	skot	-	<i>stx2a+</i>	-	3
O115:H10	skot	<i>stx1a+</i>	-	-	1
O116:H49	skot	-	<i>stx2a+</i>	-	1

Sérotyp	Zvíře	Subtyp <i>stx1</i>	Subtyp <i>stx2</i>	Gen <i>eae</i>	Počet izolovaných kmenů
O116:H21	skot	-	<i>stx2d+</i>	-	1
O130:H38	skot	<i>stx1a+</i>	<i>stx2a+</i>	-	1
O134:H38	skot	<i>stx1a+</i>	<i>stx2a+</i>	-	1
O146:H21	skot	<i>stx1d+</i>	-	-	3
O153:H25	skot	<i>stx1a+</i>	<i>stx2a+</i>	-	1
O175:H21	skot	<i>stx1a+</i>	<i>stx2a+</i>	-	2
O182:H25	skot	<i>stx1a+</i>	-	<i>eae+</i>	1
O183:H18	skot	<i>stx1a+</i>	<i>stx2a+</i>	-	1
O36:H19	skot	-	<i>stx2e+</i>	-	1
O8:H19	skot	<i>stx1a+</i>	<i>stx2a+</i>	-	1
O88:H25	skot	<i>stx1d+</i>	-	-	1
O91:H21	skot	-	<i>stx2d+</i>	-	1
O91:H21	skot	<i>stx1a+</i>	<i>stx2d+</i>	-	1
ONT:H11	skot	-	<i>stx2a+</i>	-	1
ONT:H21	skot	-	<i>stx2e+</i>	-	2
ONT:H34	skot	<i>stx1a+</i>	-	-	1
O100:H30	prase	-	<i>stx2e+</i>	-	1
O116:H21	prase	-	<i>stx2a+</i>	-	1
O133:H45	prase	-	<i>stx2e+</i>	-	1
O141:H4	prase	-	<i>stx2e+</i>	-	1
O36:H19	prase	-	<i>stx2e+</i>	-	2
O8:H19	prase	-	<i>stx2e+</i>	-	1
O8:H9	prase	-	<i>stx2e+</i>	-	2
O91:H14	prase	<i>stx1a+</i>	-	-	1
ONT:H21	prase	-	<i>stx2e+</i>	-	1
ONT:H34	prase	<i>stx1a+</i>	-	-	2
ONT:H10	ovce	<i>stx1c+</i>	<i>stx2b+</i>	-	1
O128:H2	ovce	<i>stx1c+</i>	<i>stx2b+</i>	-	1
O146:H21	ovce	<i>stx1c+</i>	-	-	5
O146:H21	ovce	<i>stx1c+</i>	<i>stx2b+</i>	-	2

Sérotyp	Zvíře	Subtyp <i>stx1</i>	Subtyp <i>stx2</i>	Gen <i>eae</i>	Počet izolovaných kmenů
O166:H28	ovce	<i>stx1c+</i>	<i>stx2b+</i>	-	1
O166:H28	ovce	<i>stx1c+</i>	-	-	1
O187:H52	ovce	<i>stx1c+</i>	-	-	1
O21:H21	ovce	<i>stx1c+</i>	<i>stx2b+</i>	-	1
O5:H19	ovce	<i>stx1c+</i>	-	-	1
O75:H8	ovce	<i>stx1c+</i>	<i>stx2b+</i>	-	1
O76:H19	ovce	<i>stx1c+</i>	-	-	4
O87:H16	ovce	-	<i>stx2b+</i>	-	2
O91:H14	ovce	<i>stx1c+</i>	<i>stx2b+</i>	-	7
O146:H21	koza	<i>stx1c+</i>	<i>stx2b+</i>	-	1

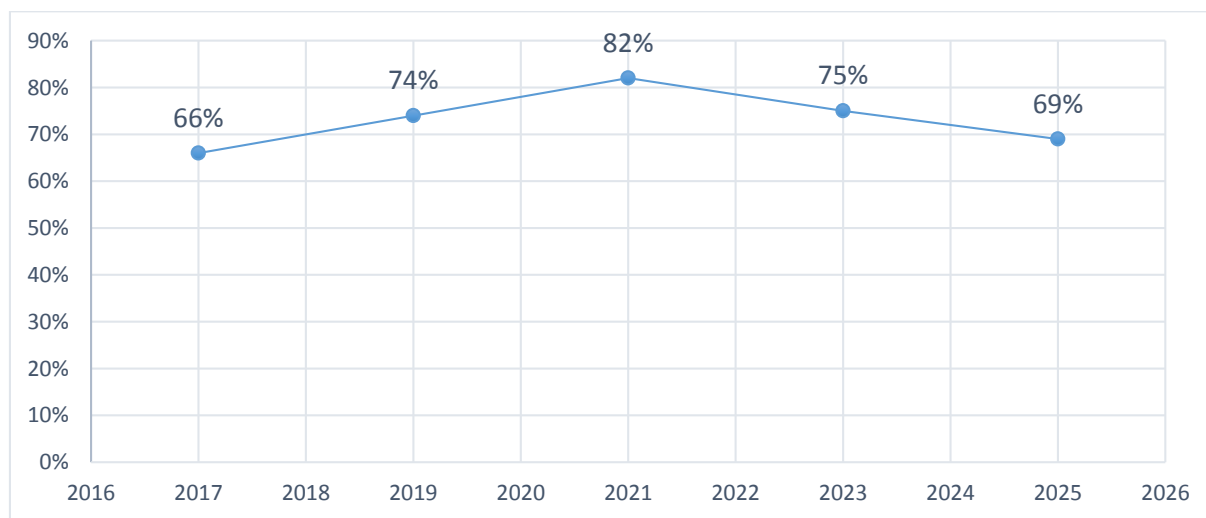
6. Monitoring antimikrobiální rezistence – *Campylobacter* spp. ze slepých střev

Pro účely tohoto monitoringu byly v roce 2025 odebírány vzorky ze slepých střev výkrmových prasat podle RK 2020/1729/EU. Odebráno bylo 257 vzorků; ve 177 vzorcích byl izolován *Campylobacter coli*, a v 1 vzorku byla duální kontaminace *C. jejuni* + *C.coli* (tab. 8). V roce 2025 bylo 69 % pozitivních nálezů, vývoj prevalence je zobrazen na grafu č. 8, ze kterého je patrné snižování prevalence výskytu kampylobakterů.

Tabulka č. 8 Záchyt termotolerantních kampylobakterů ve slepých střevech prasat v ČR v roce 2025

Počet vyšetřených vzorků	257
Počet pozitivních nálezů	178
<i>Campylobacter jejuni</i>	0
<i>Campylobacter coli</i>	177
<i>Campylobacter jejuni</i> a <i>Campylobacter coli</i>	1

Graf č. 8 Vývoj prevalence *Campylobacter* spp. u prasat ve slepých střevech v ČR v roce 2017, 2019, 2021, 2023 a v roce 2025



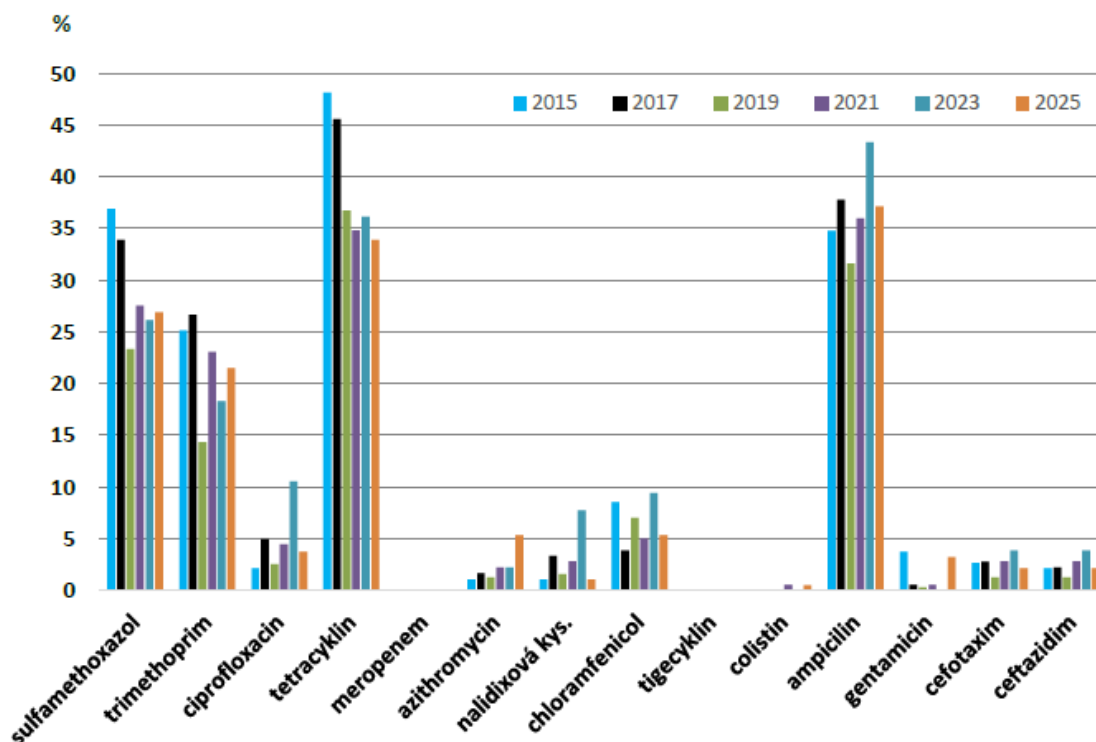
Na AMR bylo následně testováno 170 izolátů *C. coli*. K testování byla využita mikrodiluční metoda a šest vybraných antibiotik (chloramfenikol, erytromycin, gentamicin, ciprofloxacin, tetracyklin a ertapenem). Izoláty *C. coli* z prasat se vyznačují vysokou mírou rezistence zejména k tetracyklinu a ciprofloxacinu.

7. Monitoring antimikrobiální rezistence – komenzální *E. coli* ze slepých střev

Na monitoring AMR u komenzálních kmenů *E. coli* byly odebírány vzorky slepých střev prasat porážených na jatkách. Odebráno bylo 187 vzorků, z toho bylo 186 pozitivních, u kterých byla dále sledována AMR v souladu s prováděcím rozhodnutím Komise 2020/1729.

Podobně jako v předchozích letech byla rezistence nejčastěji zaznamenána u ampicilinu (37,1%), tetracyklinu (33,9%), sulfonamidů (26,9) a trimetoprimu (21,5%). Vyrůstající rezistenci vykazoval v roce 2025 gentamicin a azithromycin, naopak pokles byl zaznamenán u chinolonů a chloramfenikolu. Velmi nízkou hladinu rezistence stále vykazuje kolistin. Všechny izoláty *E. coli* byly citlivé na amikacin, meropenem, tigecyklin.

Graf č. 9 Porovnání relativní četnosti výskytu epidemiologické rezistence sledovaných antimikrobiálních látek u komenzální *E. coli* izolované z obsahu slepých střev prasat v letech 2015, 2017, 2019, 2021, 2023 a 2025 (n=1264; zdroj: Zpráva NRL pro ATB 2025, SVÚ Praha).

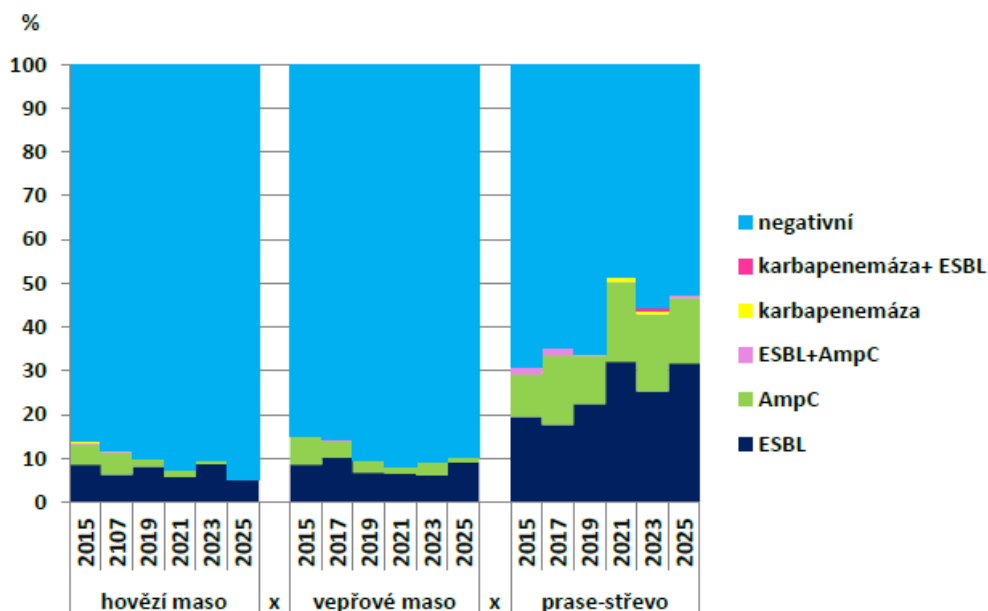


8. Monitoring antimikrobiální rezistence – enzymy produkující *E. coli* ze slepých střev a čerstvého masa (ESBL, AmpC, karbapenamázy)

Pro účely tohoto vyšetření bylo odebráno 301 vzorků čerstvého hovězího masa v maloobchodě a z nich byla v 16 případech detekována *E. coli* produkující ESBL nebo AmpC enzymy. To činí 5,3 % pozitivních vzorků, což v porovnání s předchozím obdobím představuje mírné snížení prevalence pozitivních izolátů. Dále bylo odebráno 300 vzorků vepřového masa v maloobchodě a z nich byla v 31 případech detekována *E. coli* produkující ESBL nebo AmpC enzymy. To činí 10,3 % pozitivních vzorků, což v porovnání s předchozím obdobím představuje mírné zvýšení prevalence pozitivních izolátů. A také bylo v roce 2025 vyšetřeno 300 vzorků obsahu slepých střev prasat porážených na jatkách a z těchto vzorků byla ve 143 případech detekována *Escherichia coli* produkující rozšířené β -laktamázy, ve dvou případech byly detekovány producenti AmpC a ve třech případech izoláty se sdruženou produkcí AmpC a ESBL. To činí pozitivních 47,3 % vzorků což v porovnání s předchozím obdobím znamená mírný vzestup prevalence pozitivních izolátů. *E. coli* produkující karbapenamázy nebyly v porovnání s lety 2021 a 2023 zaznamenány.

Detekované izoláty *E. coli* byly dále genotypizovány. Molekulárně genetickou analýzou bylo zjištěno, že ve všech sledovaných skupinách byl u majority ESBL pozitivních izolátů detekován jako zodpovědný gen blaCTX-M-1. Ten byl následován genem blaCTX-M-15, jehož vzestup byl detekován zejména ve vepřovém a hovězím mase. V hovězím mase byl v roce 2025 dále pozorován vzestup prevalence genů gen blaCTX-M-55 a ve vepřovém mase pak výrazný vzestup blaSHV -12.

Graf č. 10 Porovnání relativní četnosti sledovaných fenotypů rezistence izolátů *Escherichia coli* detekovaných při selektivním pomnožení vzorků hovězího a vepřového masa a obsahu slepých střev prasat v letech 2015, 2017, 2019, 2021, 2023 a 2025 (n 5417; zdroj: Zpráva NRL pro ATB 2025, SVÚ Praha)



9. Monitoring antimikrobiální rezistence - *Salmonella* spp. ze slepých střev

V roce 2025 byly na jatkách odebírány vzorky z obsahů slepých střev výkrmových prasat podle Rozhodnutí Komise 2020/1729/EU. Bylo odebráno 305 vzorků obsahů slepých střev. V 19 vzorcích byla identifikována *Salmonella* spp., tyto izoláty byly dále sérotypizovány (tab. č. 9). Těchto 19 izolátů bylo dále vyšetřováno na antimikrobiální rezistenci a z toho osm izolátů bylo plně citlivých. Byly to tři izoláty *Salmonella* Derby, tři izoláty *Salmonella* Typhimurium a po jednom izolátu *Salmonella* Bredeney a *Salmonella* Enteritidis.

Tabulka č. 9 Výsledky sérotypizace *Salmonella* spp. u prasat ze střev v roce 2025

Sérotypizace	Počet pozitivních nálezů
S. Derby	5
S. Typhimurium	6
S. enterica ssp.enterica (4,[5],12:i:-)	2
S. enterica ssp.enterica (1,4,[5],12:i:-)	1
S. Bredeney	1
S. Enteritidis	1
S. enterica subsp.enterica (O7:-:1,5)	1
S. enterica subsp.enterica (O6,7:-:1,5)	1
S. enterica subsp. enterica (rozb.kmen)	1

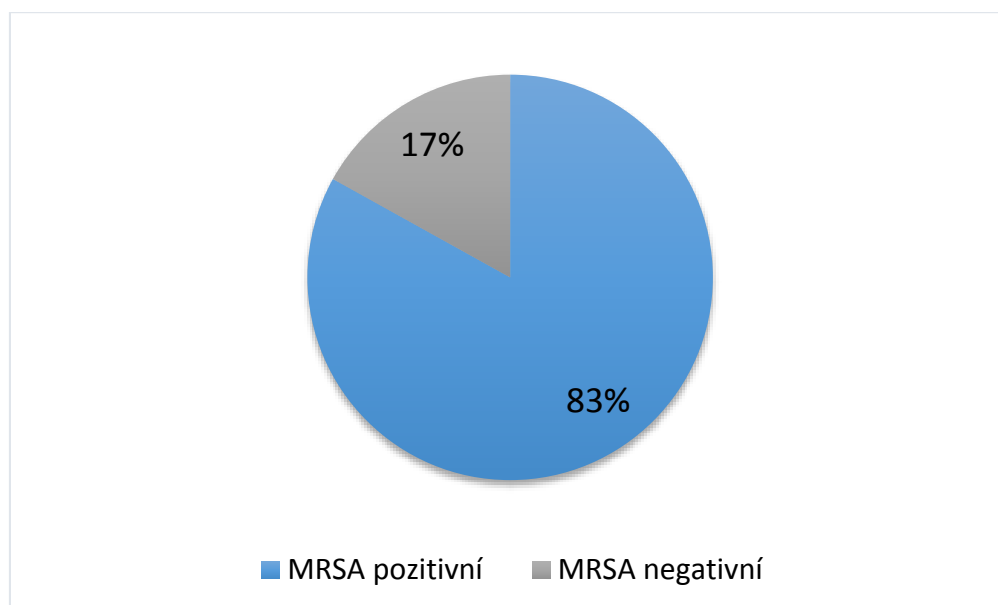
10. Monitoring zoonóz a AMR - *Staphylococcus aureus* rezistentní na methicilin (MRSA) z nasálních výtěrů prasat na výkrm

V souladu s prováděcím rozhodnutím Komise (EU) 2023/1017, kterým se mění prováděcí rozhodnutí (EU) 2020/1729, pokud jde o sledování bakterie *Staphylococcus aureus* rezistentní na methicilin u prasat na výkrm, byla provedena v roce 2025 jednoroční pilotní studie MRSA na cílové populaci zdravých výkrmových prasat z tuzemska. Na 18 vybraných jatkách se odebíraly nasální výtěry (provedeno 20 hlubokých výtěrů z nosu od 20 různých prasat 1 epidemiologické jednotky, z kterých byly vytvořeny 4 směsné vzorky po 5 výtěrech z nosu).

Bylo odebráno celkem 163 porážkových šarží výkrmových prasat ze 117 různých chovů.

Ze 163 porážkových šarží bylo 136 pozitivních na MRSA a 27 negativních. U všech izolátů byl dále proveden PCR profil vybraných faktorů virulence. Výsledky vyšetření prokázaly uniformní populaci MRSA kmenů na území ČR. Všechny 136 izolátů MRSA bylo identifikováno jako CC398, pozitivních na gen *spa* a gen *mecA* a dále byla u všech prokázána rezistence na tetracyklin a cefoxitin.

Graf č. 11 Podíl MRSA pozitivních porážkových šarží prasat



Výsledky získané v ČR budou zahrnuty do souhrnné evropské zprávy o výskytu MRSA u porážených prasat, která poskytne přehled o situaci v jednotlivých členských státech EU.



**Státní
veterinární
správa**